

Etude de l'évolution microbiote intestinal chez le porc via un échantillonnage non-invasif avec CapSa

Inés García Viñado^{1,2}, Federico Correa², Paolo Trevisi², Giuseppe Bee¹ and Catherine Ollagnier¹

¹ Swine Research Unit, Agroscope, 1725 Posieux, Suisse

² Department of Agricultural and Food Sciences (DISTAL), University of Bologna, 40127 Bologna, Italie

Introduction

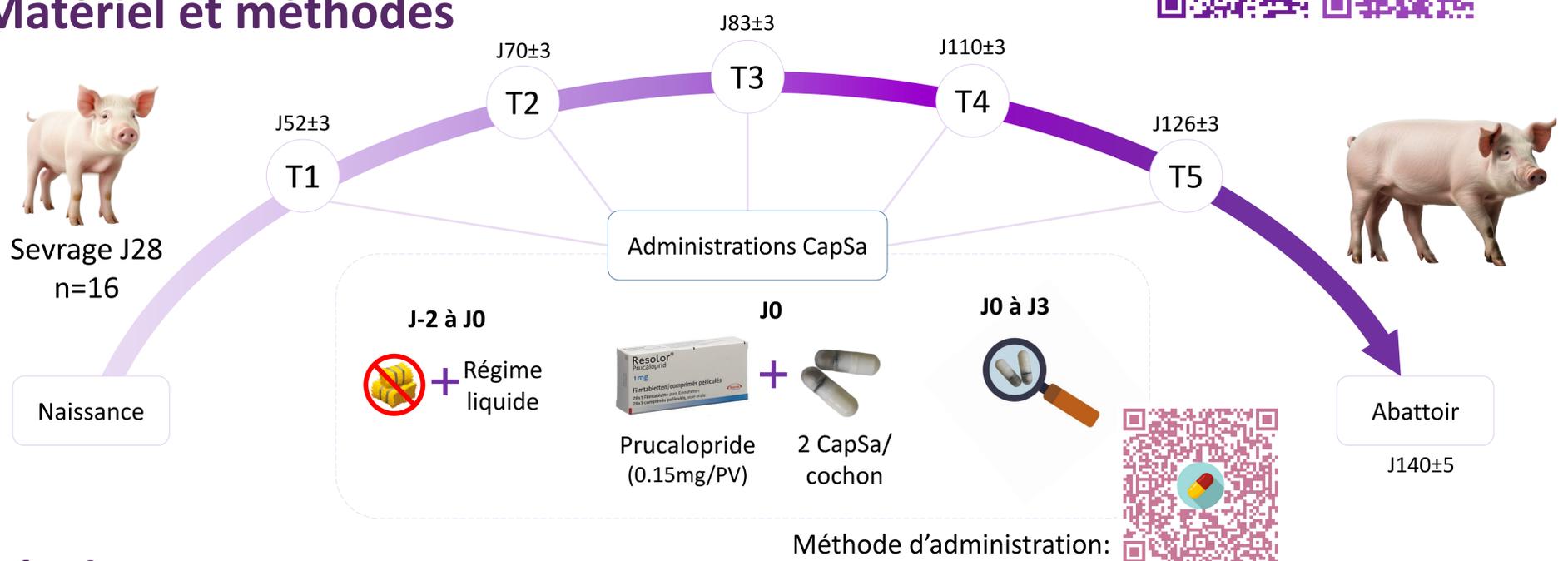
Les bactéries du tractus digestif jouent un rôle essentiel dans la digestion, la production de nutriments, la formation d'une barrière contre les pathogènes et la modulation du système immunitaire de l'hôte. La plupart des recherches se sont concentrées sur le microbiote fécal, mais le microbiote de l'intestin grêle est différent de celui des fèces.

- **Objectif:** analyser les fluctuations du microbiome intestinal à différentes étapes de la vie des porcs, du sevrage à l'âge adulte en utilisant CapSa.

L'outil CapSa a été validé *in vitro* et *in vivo*:

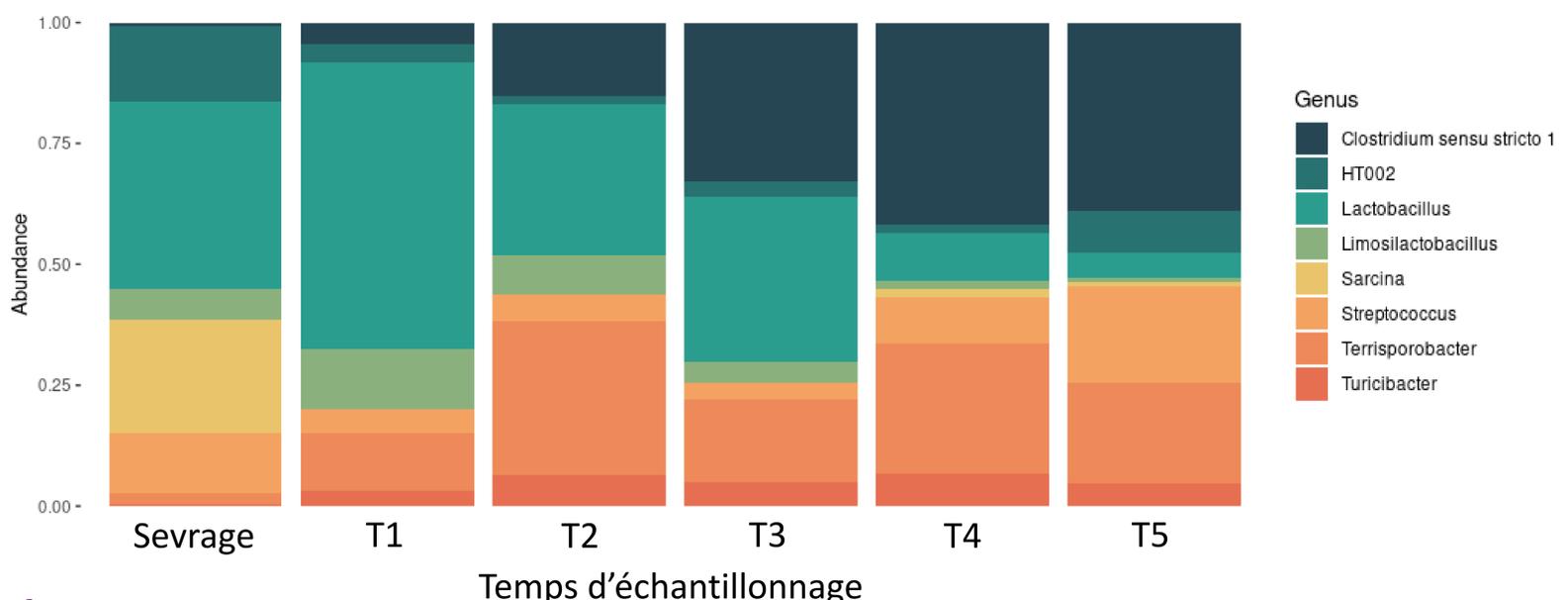
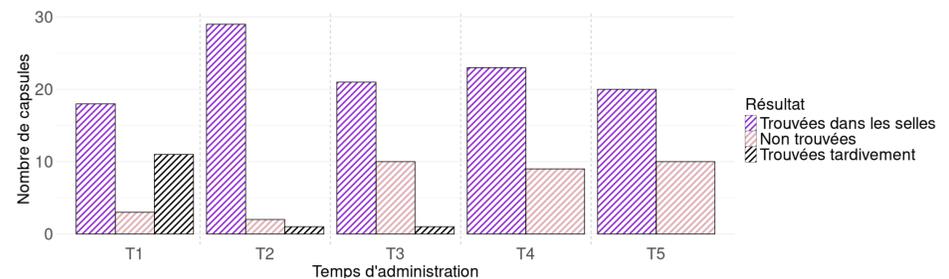


Matériel et méthodes



Résultats

- L'abondance de *Lactobacillus* diminue progressivement, alors que l'abondance du genre *Clostridium* augmente et devient majoritaire à T4.
- L'abondance des genres *Terrisporobacter* et *Streptococcus* augmente progressivement de T1 à T5.



Conclusion

Les échantillonnages CapSa montrent une évolution du microbiome, avec une diminution de *Lactobacillus* et une augmentation de *Clostridium*, *Terrisporobacter*, et *Streptococcus* au cours du temps.

