

2. RESULTATS

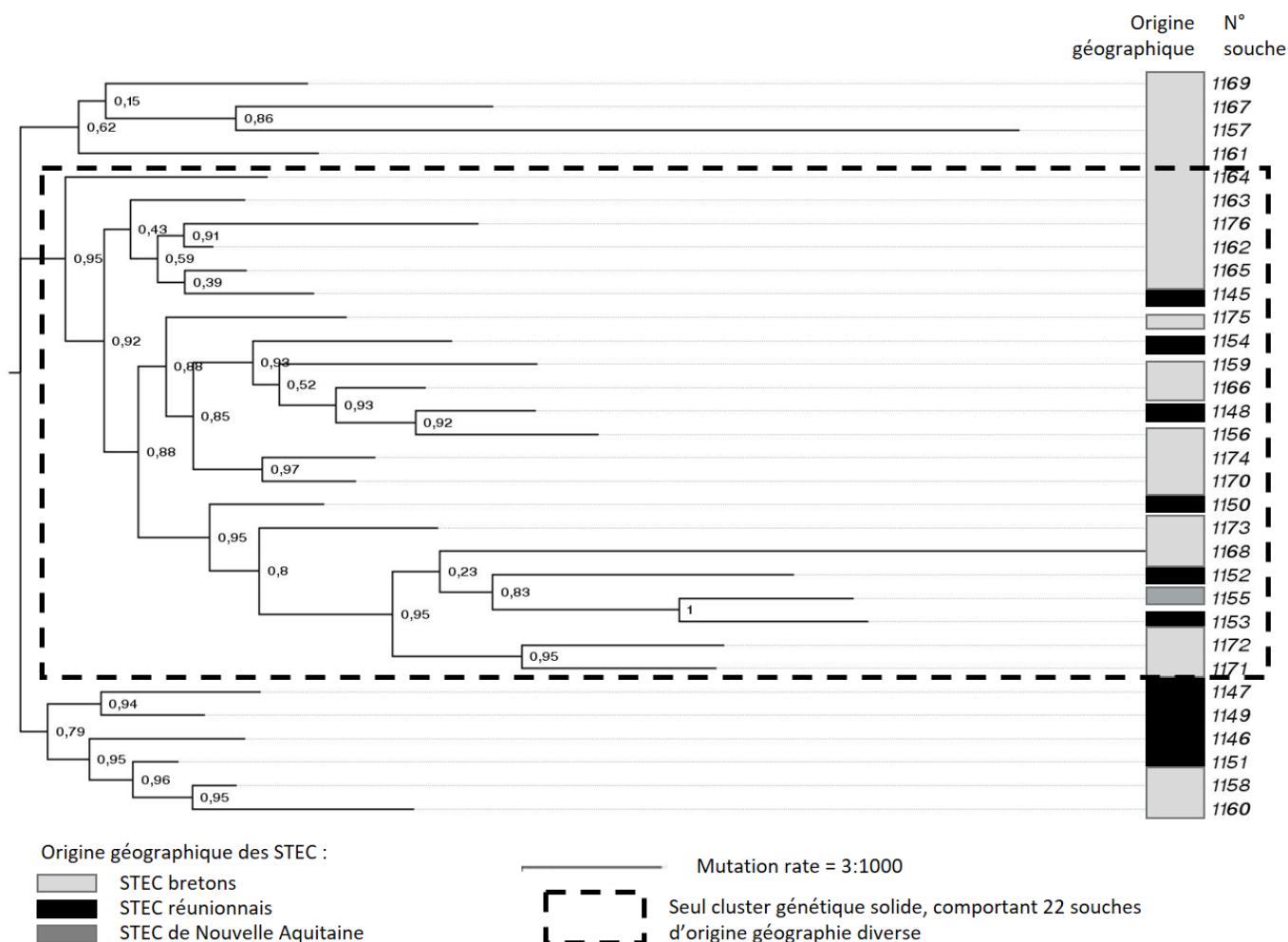


Figure 1 – Arbre phylogénétique raciné

La figure 1 positionne dans un arbre phylogénétique raciné les souches STEC étudiées et partiellement séquencées.

22 souches sur les 32 investiguées présentent une parenté génétique suffisante pour être placées dans le même cluster vrai (valeur numérique du nœud le plus en amont du cluster $\geq 0,95$). Ces 22 souches ne présentent pas entre elles de liens épidémiologiques connus (origine géographique et années d'isolement diverses).

De même que les STEC métropolitains, les STEC réunionnais ne sont pas tous dans le même cluster, du fait d'une variabilité génétique notable entre eux.

CONCLUSION

L'hypothèse qu'un clone STEC particulier (à pouvoir pathogène exacerbé et/ou d'origine non insulaire) ait diffusé entre les élevages porcins réunionnais n'est donc pas étayée par les résultats de cette étude. Il n'est pas mis en lumière une originalité et une proximité génétique des STEC réunionnais, qui auraient pu expliquer l'émergence brutale de la Maladie de l'Œdème sur l'île de la Réunion. D'autres pistes explicatives seraient désormais à explorer. Ainsi la recherche des changements s'étant opérés dans la filière porcine réunionnaise et ayant pu faciliter l'expression du pouvoir pathogène des STEC serait un axe de travail pertinent.

REFERENCES BIBLIOGRAPHIQUES

- Ahmed, S., Besser, T.E, Call, D.R., Weissman, S.J., Jones, L.P., Davis, M.A., 2016, Evaluation of two multi-locus sequence typing schemes for commensal *Escherichia coli* from dairy cattle in Washington State. *J Microbiol Meth* 124, 57-61.
- Jardin A, Leneveu P., Bayon-Auboyer M.H., Morvan H., Moalic P.Y., Le Guennec J., Creac'h P., Gotter V., 2017. Diagnostic de la maladie de l'œdème chez le porc en France : bilan des connaissances acquises depuis 2014 par la PCR de génotypage des *Escherichia coli*. *Journées Rech. Porcine*, 49, 177-182.
- Wirth, T., Falush, D., Lan, R., Colles, F., Mensa, P., Wieler, L.H., Karch, H., Reeves, P.R., Malden, M.C., Ochman, H., Achtman, M., 2006, Sex and virulence in *Escherichia coli*: an evolutionary perspective. *Mol Microbiol*, 60, 1136–1151.